

HERRAMIENTAS MOLECULARES E INFORMÁTICA EN INVESTIGACIONES BIOMÉDICAS. Universidad Internacional Menéndez Pelayo, Santander.

3 a 7 de agosto de 2015.

Directores del curso: Concha Gil y Fernando Corrales.

MAÑANA	LUNES	MARTES	MIERCOLES	JUEVES	VIERNES
09:30-11:30h	Inauguración. Concha Gil García y Fernando Corrales Izquierdo. Implicaciones éticas del manejo de	Polimorfismos genéticos. Introducción al	Introduccion. Bioinformatica en los	Banco Nacional de Líneas Celulares:	Arrays de proteínas y anticuerpos.
03.30-11.3011	muestras biológicas en investigación. Derechos del sujeto fuente. Andrés C. García Montero.	genotipado. Inés Quintela.	proyectos de genómica. El INB y ELIXIR. Alfonso Valencia.	Estructura y Actividades. Blanca Miranda.	Manuel Fuentes.
	Requisitos legales para la utilización de muestras biológicas en investigación. Javier Arias Díaz.	Tecnologías y diseño de proyectos de genotipado. María Torres.	Recursos y bases de datos en genomica. EGA y los genomas de interés medico. Arcadi Navarro.	Células madre pluripotentes. Fundamentos y tipos. Dunja Lukovic.	Aplicaciones de la proteómica. Caracterización del proteoma, biomedicina. Ignacio Casal.
12.00-13:00h	Los biobancos como herramienta clave en la investigación biomédica traslacional. Alberto Orfao.	0 0	Analisis de genomas, RNAseq y otras omicas. Joaquin Dopazo.	Investigación traslacional con células madre pluripotentes. Anna Veiga.	proteoma humano El proyecto proteoma humano. ¿Cómo completar la máquina de la vida? Fernando Corrales.
13:00-14:00h	Control de calidad: Puntos críticos en la gestión de muestras biológicas. María Pérez.	Proyecto ENCODE. Alfonso Valencia.	Analisis de relaciones entre enfermedades y genes. Ferran Sanz.	Mesa redonda: Situación actual y perspectivas de la Investigación con células madre. Participantes: Blanca Miranda, Dunja Lukovic y Anna Veiga	Participantes: Concha Gil, Ignacio Casal, Manuel Fuentes y Francisco Blanco.
TARDE					Clausura
16:00-18:00h	Mesa redonda: Proyecto internacional 1000 genomas El proyecto 1000 genomas. Andrés G. García Montero. Participantes: Andrés C. García Montero, Alberto Orfao, Anna González Neira.	control española. Retos y dificultades. Identificación de variantes de riesgo en	Mesa redonda: Bioinformatica en la medicina de precision y las necesidades de formacion en bioinformatica y biologia computacional. Introducción Alfonso Valencia. Participantes: Alfonso Valencia, Arcadi Navarro, Joaquín Dopazo y Ferrám Sanz.	Introducción a la proteómica. Concha Gil. Métodos de separación de proteínas y espectrometría de masas. Montserrat Carrascal. Proteómica cuantitativa. Manuel Sánchez del Pino.	

Nota: El lunes las sesiones comenzarán a las 10:00 en lugar de a las 9:30h; la primera sesión se retrasará media hora

Colaboran:











